

جدا سازی سویه های سودوموناس آئروژینوزا تولید کننده متالوبتالاکتماز از بیماران مبتلا به عفونتهای سوختگی و شناسایی ژنهای *bla_{VIM}* و *bla_{IMP}* با روش PCR

فاطمه میهنی^{*}، آذر دخت خسروی

گروه میکروب شناسی و مرکز تحقیقات بیماریهای عفونی و گرمیسری، دانشگاه علوم پزشکی جندی شاپور اهواز نویسنده رابط: آذر دخت خسروی، گروه میکروب شناسی و مرکز تحقیقات بیماریهای عفونی و گرمیسری دانشگاه، دانشگاه پزشکی، دانشگاه علوم پزشکی جندی شاپور اهواز تلفن: ۰۶۱۱-۳۲۳۲۰۳۶ فکس: ۰۶۱۱-۳۲۳۰۰۷۴ khosraviaz@yahoo.com

تاریخ دریافت مقاله: ۸۶/۳/۲۲ تاریخ پذیرش مقاله: ۸۶/۳/۶

چکیده:

زمینه و اهداف: سودوموناس آئروژینوزا یکی از عوامل مهم عفونت های بیمارستانی خصوصاً در بیماران مبتلا به نقص سیستم ایمنی می باشد. برای درمان عفونت های شدید ناشی از این میکروارگانیسم آنتی بیوتیکهای متعددی از جمله بتالاکتمها به کار می روند. شیوع بیمارستانی سویه های مقاوم به آنتی بیوتیک های بتالاکتم بسیار گزارش شده است که از مهمترین عوامل دخیل در این مقاومت ها، تولید آنزیم های بتالاکتماز می باشد. از جمله این آنزیم ها می توان به متالوبتالاکتمازها اشاره نمود که این آنزیم ها طیف سوبسترای وسیعی داشته و همه بتالاکتمها را، به جز مونوباتکام آزترئونام، هیدرولیز می کنند. در تحقیق حاضر فراوانی تولید متالوبتالاکتماز در ایزوله های سودوموناس آئروژینوزا مقاوم به ایمپینم مورد ارزیابی قرار گرفت.

روش بررسی: در ابتدا الگوی مقاومت آنتی بیوتیکی ۱۰۰ ایزوله بالینی سودوموناس آئروژینوزا، که از همین تعداد بیمار مبتلا به عفونت های سوختگی بستری در بیمارستان طالقانی اهواز جدا شده بودند، با تست دیسک دیفیوژن به روش کربی- بائر تعیین شد. تمام ایزوله های کلینیکی سودوموناس آئروژینوزا مقاوم به ایمپینم توسط Etest (ایمپینم به اضافه EDTA) Etest Metallo-β-Lactamase (برای تولید متالوبتالاکتماز غربالگری شدند. استخراج DNA از کلنی های کشت خالص توسط روش جوشانیدن ساده انجام گرفت. DNA های استخراج شده با استفاده از پرایمرهای اختصاصی برای ژن های VIM و IMP متالوبتالاکتماز توسط روش PCR مورد بررسی قرار گرفتند.

یافته ها: بر اساس نتایج حاصله درصد مقاومت ایزوله ها به شرح زیر بود: سفپیم ۰٪، سفتازیدیم ۸۱٪، تیکارسیلین ۷۰٪، ایمپینم ۱۴٪، مروپین ۲۳٪ و پیپراسیلین ۲۰٪. در بررسی تولید متالوبتالاکتماز با روش MBL در ایزوله های مقاوم به ایمپینم، مشخص شد که ۸ ایزوله از ۴۱ ایزوله مقاوم (۱۹/۵۱٪) متالوبتالاکتماز مثبت بودند. از ۱۴ ایزوله سودوموناس آئروژینوزا مقاوم به ایمپینم جدا شده در طول این دوره تحقیق ۸ ایزوله ای که با روش Etest MBL مثبت شده بودند دارای ژن VIM بودند و ایزوله ای که ژن IMP را داشته باشد شناسایی نشد و ۳۲ ایزوله باقیمانده (۴۹٪) برای هر دو ژنهای VIM و IMP منفی شدند.

نتیجه گیری: نتایج این تحقیق نشان می دهد که همانند سایر تحقیقات انجام شده در دیگر نقاط جهان میزان سویه های مقاوم به آنتی بیوتیک سودوموناس آئروژینوزا رو به افزایش است و تولید متالوبتالاکتماز می تواند یکی از دلایل این امر باشد.

کلید واژه ها: سودوموناس آئروژینوزا، مقاومت آنتی بیوتیکی، متالوبتالاکتماز

مقدمه :

در ایزوله های کلینیکی سودوموناس آئروژینوزا مقاوم به ایمپینم در طول سالها ۱۳۸۵ تا ۱۳۸۴ مورد بررسی قرار گرفت.

مواد و روش ها :

سوشهای باکتریایی: در این تحقیق از ۱۰۰ ایزوله کلینیکی سودوموناس آئروژینوزا، به دست آمده از ۱۰۰ بیمار مبتلا به عفونتهای سوختگی بستری در بیمارستان سوانح و سوختگی طالقانی اهواز، که در آزمایشگاه تعیین هویت شده بودند استفاده شد. جهت تشخیص این ایزوله ها از سایر باکتری های گرم منفی و حصول اطمینان از جنس و گونه باکتری تستهای بیوشیمیایی استاندارد انجام گرفت. این تستها شامل رشد در محیط مک کانکی آگار، تستهای اکسیداز و کاتالاز، واکنش در محیط (Triple Sugar Iron Agar) (TSI, OF)، (Oxidative- Fermentative Medium) بررسی تحرک، تولید اندول و گاز، رشد در ۴۲ درجه سانتی گراد و تولید پیگمان پیوسیانین در محیط مولر هیلتون آگار بودند (۱۲).

تعیین حساسیت آنتی بیوتیکی:

الگوی مقاومت آنتی بیوتیکی نمونه های کلینیکی جدا شده از بیماران سوختگی با تست دیسک دیفیوژن به روش کربی - بائر تعیین شد. آنتی بیوتیک های استفاده شده در این تحقیق شامل (MEM)، (IPM)، (CAZ)، (IMP)، (FEP)، (TIC)، پیپراسیلین (PIP) و سفپیم (FEP) بود که از کمپانی MAST از کشور انگلستان، خریداری شدند. قطر هاله های حاصل از این تست باید با جدول استاندارد ذکر شده که توسط شرکت MAST در اختیار قرار گرفته بود، مقایسه گردید.

Etest MBL (Etest MBL):

در این قسمت از تحقیق سویه های تولید کننده متالوباتالاکتماز، در ایزوله های سودوموناس آئروژینوزا مقاوم به ایمپینم توسط نوارهای Etest (AB BIODISK, Sweden) مورد شناسائی قرار گرفتند.

جهت تهیه سوسپانسیون میکروبی ۴ تا ۵ کلنج خالص باکتری را به لوله حاوی محیط Tripticase Soy Broth (TSB) منتقل کرده و سپس آن را به مدت ۲-۸ ساعت در دمای ۳۷°C قرار دادیم تا باکتری ها رشد کرده و به فاز لگاریتمی برسند سپس کدورت محیط مایع میکروبی با استاندارد ۰/۵ مک فارلن مقاریسه شد و توسط سواب استریل از این سوسپانسیون میکروبی استاندارد در سطح محیط مولر هیلتون آگار به روش سفره ای کشت داده شد و پس از حدود ۱۵ دقیقه و حصول اطمینان از خشک شدن سطح محیط کشت یک نوار MBL در سطح آگار قرار داده و پلیتها در ۳۷°C به مدت ۱۶ تا ۱۸ ساعت انکوبه گردیدند.

سودوموناسها با سیلهای گرم منفی، هوازی و متحرک هستند. سودوموناس آئروژینوزا اغلب به تعداد کم فلور طبیعی روده و پوست انسان را تشکیل می دهد(۱) و پاتوژن فرصت طلب در بیماران دچار اختلال سیستم دفاعی می باشد(۲). معروفی کریابنمهای به دنیای پزشکی یک امتیاز بزرگ جهت درمان عفونت های جدی باکتریایی که توسط باکتریهای مقاوم به بتالاکتمازها ایجاد شده اند محسوب می شود که این بدليل طیف وسیع فعالیت آنها و پایداری شان در برابر اکثر آنزیمهای بتالاکتماز می باشد(۳). مقاومت به کریابنمهای در گونه های غیر تخمیری مانند سودوموناس آئروژینوزا بیشتر مشاهده شده است که شایعترین مکانیسم های مقاومت به دلیل کاهش نفسود دارو و تولید بتالاکتماز های هیدرولیزکننده کریابنمهای می باشد(۴،۵). گزارشاتی حاکی از توانایی متالوباتالاکتمازها (MBLs) در هیدرولیز کریابنمهای در دست است و سوشهای سودوموناس آئروژینوزا حامل ژنهای متالوباتالاکتماز یک تهدید کلینیکی جدی می باشند(۶). سودوموناس آئروژینوزا تولید کننده متالوباتالاکتماز اولین بار از ژاپن در سال ۱۹۹۱ گزارش شد و پس از آن از نواحی مختلف دنیا شامل آسیا، اروپا، استرالیا، آمریکای شمالی و جنوبی شناسایی و گزارش گردیده است(۷،۸). متالوباتالاکتمازها در کلاس B طبقه بندی و گروه ۳ از طبقه بندی Bush و همکاران جای دارند که به کاتیونهای دو ظرفیتی (مانند فلز روی) بعنوان کوفاکتور برای فعالیت آنزیمی خود نیاز دارند(۴،۶). متالوباتالاکتماز های آنزیمهای هستند که توسط کروموزومها و یا پلاسمیدها کد می گردند و طیف سوبستراتی وسیعی دارند به طوریکه همه بتالاکتمازها، به جز مونوباکتم آزترئونام را هیدرولیز می کنند. متالوباتالاکتمازها در In vitro توسط شلاتورهای فلزی مانند اتیلن دی آمین تراستیک اسید، سدیم مرکاپتو استیک اسید و ۲- مرکاپتو پروپیونیک اسید مهار می گردند اما توسط مهار کننده های بتالاکتماز نظیر سولباکتم، تازوباکتم و یا کلازو لانیک اسید مهار نمی شوند. آنزیم های متالوباتالاکتماز بر اساس ساختمان مولکولی به چهار گروه با نام IMP, VIM, SPM, GIM تقسیم می شوند. (۹،۱۰،۱۱).

در تحقیق حاضر فراوانی تولید متالوباتالاکتماز در سویه های سودوموناس آئروژینوزا مقاوم به ایمپینم توسط روش Etest MBL ارزیابی شد. همچنین از روش مولکولی PCR برای تایید انواع IMP و VIM متالوباتالاکتماز استفاده گردید و شیوع این آنزیمهای

سودوموناس آئروژینوزا به شرح زیر استفاده گردید(۹). پرایمرها از شرکت Roche، آلمان، خریداری شدند. لازم به ذکر می‌باشد در این تحقیق از سوییه سودوموناس آئروژینوزا متالوبالتاکتاماز مثبت که از دانشگاه تربیت مدرس تهیه گردید به عنوان کنترل مثبت استفاده شد و در قسمت PCR از آب مقطر به عنوان کنترل منفی استفاده گردید.

P. aeruginosa bla IMP primers (587bp)

- 1) ۵'- GAAGGCCTTATGTCAT AC -3'
- 2) ۵'- GTATGTTCAAGAGTGAT GC -3'

P.aeruginosa bla VIM primers (382bp):

- 1) ۵'- GTTTGGTCGCATATCGCA AC -3'
- 2) ۵'- AATGCGCAGCACCAAGGAT AG -3'

یافته‌ها:

نتایج حاصل از آنتی بیوگرام به روش کریسی - باثیر برروی ۱۰۰ ایزوله سودوموناس آئروژینوزا جدا شده از بیماران دارای عفونت‌های سوختگی از قرار زیر بود: ۲۰٪ ایزوله‌ها مقاوم به پیپراسیلین (PIP)، ۲۳٪ مقاوم به مروپن (MEM)، ۴۱٪ مقاوم به ایمپین (IPM)، ۷۰٪ مقاوم به تیکارسیلین (TIC)، ۸۱٪ مقاوم به سفتازیدیم (CAZ) و ۱۰۰٪ مقاوم به سفپیم (FEP) بودند. (نمودار ۱).

در غربالگری برای تولید متالوبالتاکتاماز در ایزوله‌های سودوموناس آئروژینوزا مقاوم به ایمپینم توسط روش Etest MBL از ۴۱ ایزوله مقاوم، ۸ ایزوله (۱۹/۵۱٪) مثبت شدند. بیشترین تعداد ایزوله‌های مقاوم به ایمپینم (۴۸/۷۸ درصد) دارای الگوی مشابه شش مقاومتی بودند(شکل ۱).

تمام ایزوله‌های کلینیکی سودوموناس آئروژینوزا مقاوم به ایمپینم توسط PCR با استفاده از پرایمرهای اختصاصی، برای وجود رنگهای IMP و VIM متالوبالتاکتاماز تست شدند. از ۴۱ سوییه سودوموناس آئروژینوزا مقاوم به ایمپینم که در طول این دوره تحقیق جداسازی گردیدند، ۸ ایزوله ای (۱۹/۵۱٪) که با روش blaVIM PCR مثبت شدند با آزمایش Etest MBL با استفاده از پرایمرهای اختصاصی آن مثبت بودند و ایزوله ای که دارای ژن blaIMP باشد شناسایی نشد. ۳۳ ایزوله باقیمانده برای هر دو رنگهای VIM و IMP متالوبالتاکتاماز منفی بودند(شکل ۲).

زمانیکه رشد باکتریایی به طور واضحی در روی پلیت نمایان گردد، IP (Minimum Inhibitory Concentration)MIC و IPI ارزش دارد. در جائیکه هاله عدم رشد مربوطه استریپ را قطع کرده است، عدد روبروی محل تقاطع منطقه عدم رشد با نوار بعنوان MIC در نظر گرفته می‌شود. در تفسیر Etest MBL اگر نسبت IPI به IP MIC بزرگتر یا مساوی ۸ شود بیانگر تولید متالوبالتاکتاماز می‌باشد و همچنین اگر یک ناحیه اضافی به نام phantom zone (phantom zone) بین قسمت‌های IPI و IP مشاهده شود و یا هاله عدم رشد IP در انتهای باریک شونده بیضی مهاری چهار تغییر شکل گرددند بدون در نظر گرفتن نسبت IP MIC به IPI تولید کننده متالوبالتاکتاماز تلقی می‌گردد(۵).

تعیین ژن متالوبالتاکتاماز:

جهت استخراج DNA باکتری (کروموزومی و پلاسمیدی)، از روش جوشانیدن ساده (boiling) استفاده شد. ابتدا ۲ تا ۳ کلنسی از محیط کشت برداشت نموده و در میان ۵۰۰۰ آب مقطر استریل درون میکروتیوبهای اپندروف حل کرده و پس از ورتكس نمودن، محلول حاصل را به مدت ۱۰ دقیقه در بن ماری جوش قرار داده و در خاتمه میکروتیوبهای را به مدت ۱۰ دقیقه در دور ۱۲۰۰۰ g میکروفیوژ نموده و از محلول رویی آنها برای انجام تست PCR استفاده گردید(۹). جهت تکثیر DNA استخراج شده با استفاده از واکنش PCR، ترکیب مخلوط اصلی با حجم ۲۵ میکرولیتر به

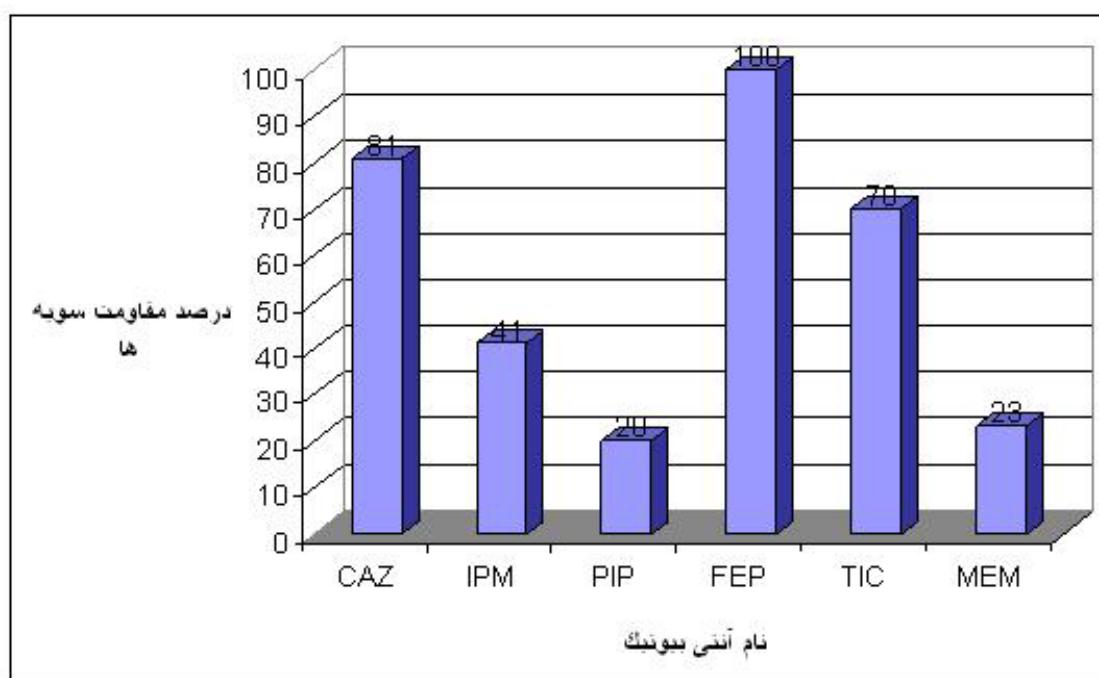
ترتیب زیر بود:

بافر ۲/۵PCR میکرولیتر، مخلوط dNTP ۶۲۵/۰ میکرولیتر، کلرید منزیروم ۵۰ میلی مولار ۷۵/۰ میکرولیتر، آنزیم Taq پلیمراز ۴/۰ میکرولیتر، ۵/۰ میکرولیتر از هر پرایمر، الگو ۵ میکرولیتر و آب مقطر ۱۴/۷۳ میکرولیتر.

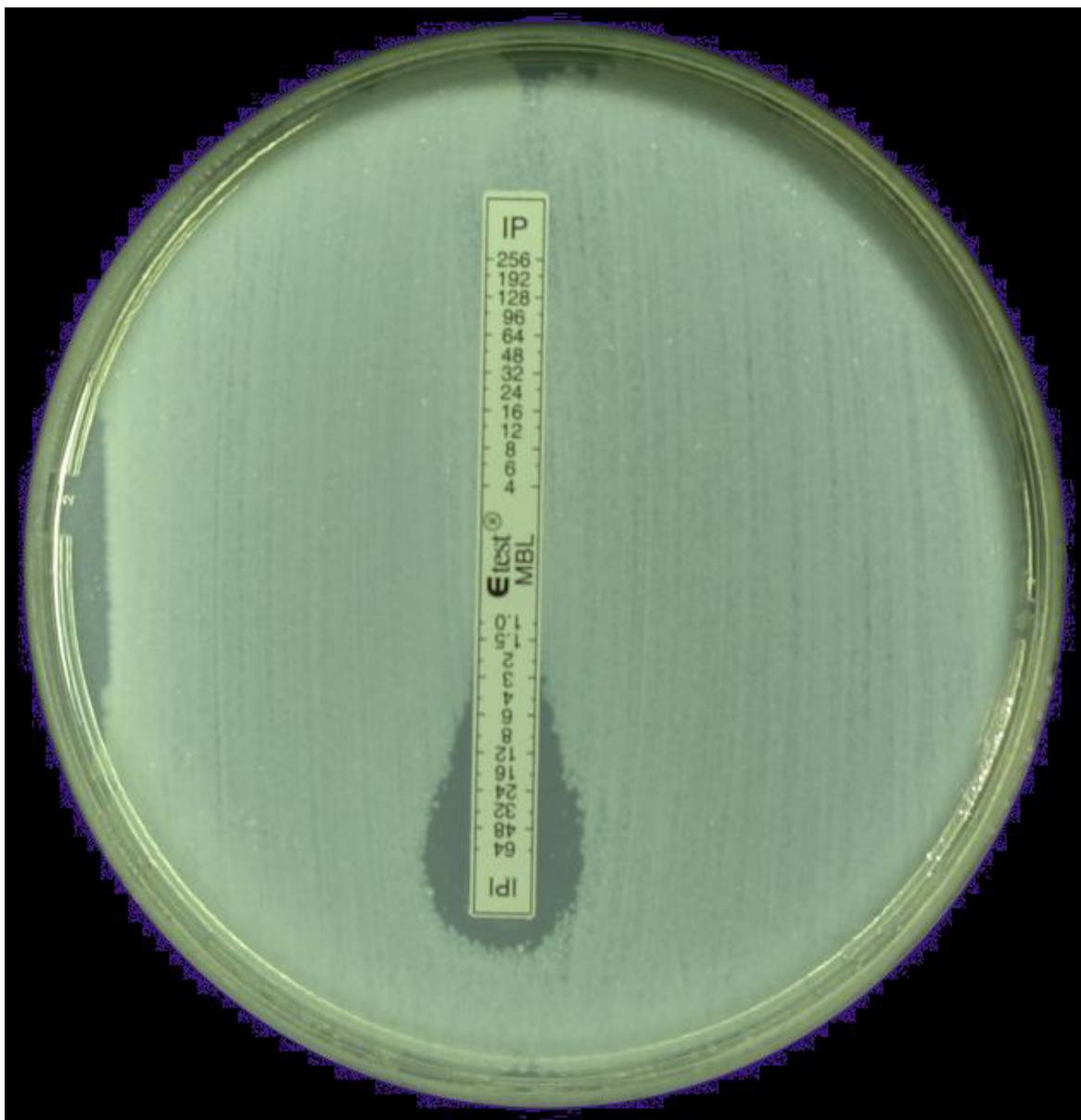
برنامه PCR برای ۳۰ سیکل تکثیر به دستگاه ترموسیکلر (BioRad, Italy) داده شده شامل مراحل زیر بود(۱۰).

مرحله اولیه جداسازی یا باز شدن دو رشته به مدت ۵ دقیقه در ۹۴ درجه سانتی گراد، مرحله باز شدن دو رشته به مدت ۱ دقیقه در ۹۴ درجه سانتی گراد (Denaturing Step)، مرحله اتصال پرایمرها به ۱ دقیقه در ۵۴ درجه سانتی گراد (Annealing Step) و مدت ۱/۵ دقیقه در ۷۲ درجه سانتی گراد (Extension Step). محصولات PCR توسط الکتروفورز با ژل آگاروز ۱/۵ درصد در بافر TBE بررسی گردیدند. ژلهای با اتیدیوم بروماید رنگ‌آمیزی شدنده سپس محصولات با نور UV مشاهده گردیدند. در این تحقیق از دو سری پرایمر blavIM و blaIMP متالوبالتاکتاماز اختصاصی، مربوط به دو ژن blavIM و blaIMP با

نمودار ۱. درصد مقاومت سویه های سودوموناس آئروژینوزا جدا شده از عفونتهای سوختگی را نسبت به آنتی بیوتیک های استفاده شده



شکل ۱. نوار Etest MBL برای تعیین ایزوله های تولید کننده متالوبتالاکتاماز



شکل ۲. ژل حاوی نمونه های PCR شده



مطالعه ای که در ژاپن صورت گرفته، نشان داده شده است که بیماران عفونی شده با سودوموناس آئروژینوزا تولید کننده متالوبالتاکتماز جهت درمان آنتی بیوتیکهای مختلف دریافت می کنند و همچنین مرگ و میر ناشی از عفونت توسط این نوع باکتریها بیشتر از آنچه توسط سودوموناس آئروژینوزا متالوبالتاکتماز منفی رخ می دهد، می باشد(۹). با توجه به اینکه سودوموناس آئروژینوزا یک پاتوژن فرصت طلب در بیماران با نقص سیستم ایمنی می باشد و عامل مهم عفونتهای بیمارستانی و سوختگی محسوب می گردد، بنابراین تعیین دقیق و گزارش سریع چنین آنزیمهایی هم از لحاظ اپیدمیولوژیک وهم به منظور کمک به پزشک در انتخاب آنتی بیوتیک مناسب جهت درمان موفق بیماران، کنترل کردن گسترش ایزوله های مقاوم به چند دارو و جلوگیری از انتشار چنین

بحث:

سوشهای سودوموناس آئروژینوزا تولید کننده متالوبالتاکتماز یک تهدید کلینیکی جدی می باشند که موجب نگرانی پزشکان درمان کننده عفونتهای ایجاد شده توسط این باکتریها گردیده است. IMP-1 اولین متالوبالتاکتماز شناخته شده در سودوموناس آئروژینوزا می باشد و به دلیل خطر بالقوه گسترش سریع IMP به دیگر گونه های باکتریایی نگرانی بزرگی را به وجود آورده است. متالوبالتاکتمازها از ایزوله های کلینیکی، در نقاط مختلف جهان و با شیوع در حال افزایش، در طی سالهای گذشته شناسایی شده اند و سویه های تولید کننده این آنزیمهها مسئول عفونتهای بیمارستانی طولانی مدت همراه با عواقب جدی هستند. یک ایزوله تولید کننده متالوبالتاکتماز در محیط بیمارستان باعث مشکلاتی در درمان بیماران می گردد و به همین دلیل یک نگرانی جدی برای شخص کنترل کننده عفونت بخصوص در واحدهای سوختگی می باشد. در

متالوبالتاکتاماز مثبت بودند و نتایج PCR آشکار کرد که هر ۴ سویه ژن VIM را داشتند این محققین بیان کردند که سویه‌های سودوموناس آئروژینوزا تولید کننده متالوبالتاکتاماز، موارد مهمی از سویه‌های مقاوم به ایمپینم در بین گونه‌های جدنشده از بیماران می‌باشند.^(۱۴)

در مطالعه دیگری که توسط Kim و همکاران در طول سالهای ۲۰۰۵ صورت گرفت از ۱۱۶ ایزوله کلینیکی سودوموناس آئروژینوزا مقاوم به ایمپینم، ۲۲ ایزوله با روش Etest MBL متالوبالتاکتاماز مثبت بودند در حالیکه با روش PCR ۲۱ ایزوله ژن VIM را داشتند و یک ایزوله باقیمانده از نظر ساختمان مولکولی کلاس بندی نشد.^(۱۵)

نتیجه گیری :

همه آزمایشگاههای میکروب شناسی باید قادر باشند سویه‌های سودوموناس آئروژینوزا تولید کننده متالوبالتاکتاماز را از سویه‌های که از مکانیزمهای دیگری برای مقاومت به کرباپنها استفاده می‌کنند تشخیص دهنند. شناسایی و تعیین اولیه سودوموناس آئروژینوزا تولید کننده MBL ممکن است از گسترش سویه‌های مقاوم به چند دارو جلوگیری نماید. در غیاب عوامل جدید برای درمان عفونتهای ایجاد شده توسط باکتریهای گرم منفی مقاوم به داروهای متعدد، در آینده نزدیک گسترش کترول نشده تولید کننده‌های متالوبالتاکتاماز ممکن است به شکست درمان و در نتیجه افزایش عفونت و مرگ و میر متهی گردد. بنابراین لازم است همه ایزوله‌های سودوموناس آئروژینوزای مقاوم یا غیر حساس به ایمپینم، به طور روتینی برای تولید متالوبالتاکتاماز با استفاده از روشهای موجود غربالگری شوند.

تقدیر و تشکر:

این تحقیق بااستفاده از بودجه طرح‌های تحقیقاتی معاونت پژوهشی دانشگاه علوم پزشکی جندی شاپور انجام گرفته که مولفین مراتب سپاس خود را اعلام می‌دارند. با تشکر فراوان از پرسنل محترم آزمایشگاه بیمارستان طالقانی اهواز که در تهیه نمونه مارا یاری دادند.

عفونتهایی در بیمارستانها، ارزشمند خواهد بود با شیوع در حال افزایش بسیلهای گرم منفی تولید کننده متالوبالتاکتاماز در بسیاری از کشورها، تستهای ساده و دقیق برای شناسایی سویه‌های تولید کننده این آنزیمهها لازم هستند. نوارهای Etest MBL بر اساس ترکیبی از یک سوبسترا بتالاکتم و یک بتالاکتم با مهار کننده متالوبالتاکتاماز برای شناسایی و تعیین این آنزیمهها، طراحی شده اند. این نوارها توانایی تعیین کردن متالوبالتاکتاماز، هم کروموزومی و هم پلاسمیدی، را در باکتریهای هوازی و بیهوای دارا می‌باشند. همه آزمایشگاههای میکروبیولوژی باید به طور روتینی تولید کننده‌های MBL را تعیین نمایند و روش Etest MBL می‌تواند به این منظور استفاده شود.^(۵)

در این مطالعه نیز سویه‌های تولید کننده متالوبالتاکتاماز با روش Etest MBL تعیین شدند. سویه‌های مثبت به سفتازیدیم، سفپیم و تیکارسیلین نیز مقاومت نشان دادند اما سطح مقاومتشان به مرپینم و پیپراسیلین متفاوت بود. تایید با روش PCR برای وجود ژنهای متالوبالتاکتاماز یک مرحله مهم می‌باشد.^(۹) در این تحقیق ما همچنین از آزمون PCR برای تایید سودوموناس آئروژینوزا تولید کننده MBL استفاده نمودیم. برایمراهای طراحی شده برای تعیین ژنهای IMP و VIM متالوبالتاکتاماز، به منظور حساسیت و ویژگی آنها، با استفاده از DNA الگو تهیه شده از سویه کترول مثبت آزمایش شدند و آزمون PCR نتایج روش Etest MBL را تایید نمود. در مطالعه ای که توسط Park و همکاران در سال ۲۰۰۳ در کره انجام گرفت از ۹۹ ایزوله کلینیکی سودوموناس آئروژینوزا مقاوم به ایمپینم، ۳۱ ایزوله با روشهای فنوتیپی متالوبالتاکتاماز مثبت بودند در حالیکه با روش PCR ۲۹ ایزوله ژن VIM و ۲ ایزوله دیگر ژن IMP را داشتند. این محققین گزارش کردند که VIM یک متالوبالتاکتاماز مهم در سودوموناس آئروژینوزا در بیمارستانهای کره می‌باشد.^(۱۳) در مطالعه ای که توسط Luzzaro و همکاران در سال ۲۰۰۴ در ایتالیا انجام شد، نشان دادند که از ۸۲ سویه سودوموناس آئروژینوزا مقاوم به ایمپینم ۴ سویه با روش Etest MBL و PCR می‌باشند.

فهرست مراجع:

1. Brooks GF, Butel JS, Morse SA. Jawetz, Melnick and Adelberg's Medical Microbiology. London: Lang Basic Science . 2004; pp: 262-267.
2. Aoki S, Hirakata Y, Kondoh A, Gondoh N, Yanagihara K, Miyazaki Y, et al. Virulence of metallo beta lactamase producing *Pseudomonas aeruginosa* In vitro. *Antimicrob. Agents Chemother* 2004; **48**: 1876-1878.
3. Lee K, Lim YS, Yong D, Yum JH, Chong Y. Evaluation of the hodge test and imipenem-EDTA double disk synergy test for differentiating metallo beta lactamase producing isolates of *Pseudomonas* spp and *Acinetobacter* spp. *J Clin Microbiol* 2003; **41**:4623-4629.
4. Senda K, Arakawa Y, Ichiyama S, Nakashima K, Ito H, Ohsuka S, et al. PCR detection of metallo beta lactamase gene(blaIMP) in gram negative rods resistant to broad spectrum beta lactams. *J Clin Microbiol* 1996; **34**: 2909-2913.
5. Walsh TR, Bolmstrom A, Qwarnstrom A, Gales A. Evaluation of a new Etest for detection metallo beta lactamases in routine clinical testing. *J Clin Microbiol* 2002; **40**: 2755-2759.
6. Senda K, Arakawa Y, Nakashima K, Ito H, Ichiyama S, Shimokata K, et al. Multifocal outbreaks of metallo beta lactamase producing *Pseudomonas aeruginosa* resistant to broad spectrum beta lactams including carbapenems. *Antimicrob Agents Chemother* 1996; **40**:349-353.
7. Mendiratta DK, Deotale V, Narang P. Metallo beta lactamase producing *Pseudomonas aeruginosa* in a hospital from a rural area. *Indian J Med Res* 2005; **121**: 701-703.
8. Henrichfreise B, Wiegand L, Sherwood KJ, Wiedemann B. Detection of VIM-2 metallo beta lactamase in *Pseudomonas aeruginosa* from Germany. *Antimicrob Agents Chemother* 2005; **49**: 1668-1669.
9. Pitout JDD, Gregson DB, Poirel L, McClure JA, Le P, Church DL. Detection of *Pseudomonas aeruginosa* producing metallo beta lactamases in a large centralized laboratory. *J Clin Microbiol* 2005; **43**: 3129-3135.
10. Helfand MS, Bonomo RA. Current challenges in antimicrobial chemotherapy: the impact of extended-spectrum beta lactamases and metallo beta lactamases on the treatment of resistant Gram-negative pathogens. *Curr Opin Pharmacology* 2005; **5**: 452-458.
11. Arakawa Y, Shibata N, Shibayama K, Yugi T, Fujiwara H, et al. Convenient test for screening metallo beta lactamases producing gram negative bacteria by using thiol compounds. *J Clin Microbiol* 2000; **38**: 40-43.
12. Forbes BA, Sahm DF, Weissfeld AS. Diagnostic Microbiology. 11th ed. Missouri: Mosby company. 2002; pp: 389-391.
13. Park JJ, Oh EJ, Lee S, Kim SI, Park YJ, Kang MW and et al. Prevalence of metallo beta lactamase among *Pseudomonas aeruginosa* and *Acinetobacter baumannii* in a Korean university hospital and comparison of screening methods for detecting metallo beta

- lactamase. *J Microbiol Methods* 2003; **54**:411-418.
14. Luzzaro F, Endimiani A, Docquier JD, Mugnaioli C, Bonsignori M, Amicosante G, et al. Prevalence and characterization of metallo-beta-Lactamases in clinical isolates of *Pseudomonas aeruginosa*. *Diagn. Microbiol Infect Dis* 2004; **48**:131-135.
15. Kim IS, Lee NY, Ki CS, Oh WS, Peck KR, Song JH. Increasing prevalence of imipenem-resistant *Pseudomonas aeruginosa* and molecular typing of metallo-beta-lactamase producers in a Korean hospital. *Microb Drug Resist* 2005; **11**: 355-359.