

## بررسی مولکولی ژن بتا لاکتاماز طیف گسترده تیپ SHV در ایزوله‌های اشريشیا کلی و کلبسیلا پنمونیه در نمونه‌های بالینی جدا شده از ۴ مرکز آموزشی و درمانی شهر

تبریز

علیرضا مباشر کار جدی<sup>۱</sup>، محمد رضا نهائی<sup>\*۲</sup>، هایده مبین<sup>۳</sup>، مجید پرنور<sup>۱</sup>، جاوید صادقی<sup>۲</sup>

(۱) گروه میکروب شناسی، دانشگاه آزاد اسلامی واحد زنجان

(۲) گروه میکروب شناسی، دانشکده پزشکی دانشگاه علوم پزشکی تبریز

(۳) مرکز تحقیقات کاربردی دارویی، دانشگاه علوم پزشکی تبریز

(۴) گروه میکروب شناسی، دانشکده پزشکی، دانشگاه آزاد اسلامی واحد تبریز

نویسنده رابط: محمد رضا نهائی، گروه میکروب شناسی، دانشکده پزشکی و آزمایشگاه باکتریولوژی مرکز تحقیقات کاربردی دارویی،

دانشگاه علوم پزشکی تبریز

تلفن: ۰۴۱۱-۳۳۶۴۶۶۱

nahaeimr@tbzmed.ac.ir

تاریخ دریافت مقاله: ۸۷/۱۰/۲۲ تاریخ پذیرش مقاله: ۸۸/۱/۲۴

### چکیده:

زمینه و اهداف: امروزه به دلیل استفاده گسترده از سفالوسپورین‌های نسل سوم، شاهد بروز انواع مقاومت دارویی نسبت به این آنتی بیوتیک‌ها هستیم. هدف از این مطالعه، تعیین الگوهای حساسیت آنتی بیوتیکی و فراوانی ژن bla<sub>SHV</sub> در ایزوله‌های K. pneumoniae و Klebsiella pneumoniae و Escherichia coli و K. pneumoniae از ۴ مرکز آموزشی و درمانی شهر تبریز (امام خمینی، سینا، شهدا و کودکان) بود.

روش بررسی: تعداد ۱۴ ایزوله E. coli و ۷۴ ایزوله K. pneumoniae از ۴ مرکز آموزشی و درمانی شهر تبریز جمع آوری شدند. حساسیت آنتی بیوتیکی ایزوله‌ها به روش Kirby-Bauer آزمایش شد و از روش Combined disk test چهت انجام تست تائیدی استفاده گردید. نتایج با استانداردهای Clinical and laboratory standards institute (CLSI) مقایسه شدند. ایزوله‌های ESBL مثبت، توسط روش PCR، از نظر ژن bla<sub>SHV</sub> بررسی شدند.

یافته‌ها: از ایزوله‌های E. coli و K. pneumoniae به ترتیب ۳۳ (۴۹/۸۰٪) و ۴۳ (۴۸/۹۱٪) ایزوله به سفتازیدیم و ۳۲ (۵/۷۸٪) و ۴۲ (۳۶/۸۹٪) ایزوله به سفتاتاکسیم مقاوم بودند. در E. coli ۴۰ (۵۶/۹۷٪) ایزوله ESBL مثبت و ۷ (۷/۱۷٪) ایزوله حاوی ژن bla<sub>SHV</sub> بودند. از ۴۷ ایزوله K. pneumoniae bla<sub>SHV</sub> مثبت و ۱۲ (۲۵٪/۵۲) ایزوله حاوی ژن bla<sub>SHV</sub> بودند. ۱۰۰٪ ایزوله‌های E. coli و K. pneumoniae به ایمی پنم حساس بودند.

نتیجه گیری: با توجه به درصد بالای مقاومت به سفالوسپورین‌های نسل سوم، انجام دقیق آنتی بیوگرام و پرهیز از تجویز بی روبی آنتی بیوتیک‌ها در عفونت‌های ناشی از ارگانیسم‌های تولید کننده ESBL، یک ضرورت اجتناب ناپذیر است.

کلید واژه‌ها: بتا لاکتاماز طیف گسترده، اشريشیا کلی، کلبسیلا پنمونیه، واکنش زنجیره ای پلیمراز، ژن bla<sub>SHV</sub>

## مقدمه:

پلاسمیدهای حامل ESBL که قادر TEM و SHV باشند، متشر گردید و برای اولین بار در اوخر دهه ۱۹۸۰ در اروپا گزارش شد (۱۶۲). مقاومت باکتری‌های گرم منفی به آنتی بیوتیک‌های بتالاکتام طیف گسترده در دو دهه‌ی گذشته به سرعت گسترش ESBLs یافت. این مقاومت به طور عمده به پلاسمیدهای حاوی نسبت داده می‌شود (۱۷).

مطالعات اخیر، نشان دهنده گسترش و پراکندگی ژن bla<sub>SHV</sub> در نقاط مختلف جهان است. به طور مثال، سال ۲۰۰۳ در اسپانیا (۱۸)، سال ۲۰۰۷ در هند (۷۵٪/۱۹)، سال ۲۰۰۸ در مالزی (۱۱٪/۲۰) و نیز برخی مطالعات در ایران هم حاکی از شیوع و تنوع تیپ‌های مختلف بتالاکتامازهای طیف گسترده می‌باشد (۲۱-۲۳). برخی مطالعات، شیوع سویه‌های مقاوم به سفالوسپورین‌های طیف گسترده را با واسطه ESBLs در ایزوله‌های اشريشیاکلی و کلبسیلا پنمونیه جدا شده از بیماران بخش مراقبت‌های ویژه بین ۲۸-۳۴٪ ذکر نموده‌اند. این در حالی است که آنتی بیوتیک‌های گروه بتالاکتام درصد بالایی از آنتی بیوتیک‌های مصرفی در پزشکی را به خود اختصاص می‌دهند (۲۴-۲۶). تا به امروز حدود بیش از ۲۰۰ نوع ESBLs مختلف در جهان کشف شده که اکثر آنها در خانواده انترباکتریا سه دیده شده اند (۲۷). به طور خلاصه مطالعات و گزارش‌های متعدد حاکی از شیوع و پراکنش این نوع مقاومت در اقصی نقاط دنیا بوده و موید یک مشکل جهانی است. این مطالعات مقاومت‌های چند دارویی باکتری‌ها را یکی از مضادات عمدۀ پزشکی دانسته و بر لزوم بررسی و کنترل آن‌ها تأکید دارد (۲۸ و ۲۹). لذا از آنجائی که مطالعات مشابه در ایران کمتر انجام شده و الگوی مقاومت سویه ESBLs های باکتری‌ای مولد عفرن‌های بیمارستانی با مکانیسم در مناطق مختلف ایران در دسترس نیست، انجام تحقیقات در این زمینه ضروری و اجتناب ناپذیر می‌باشد. هدف از انجام این مطالعه، تعیین الگوهای حساسیت آنتی بیوتیکی و فراوانی ژن Klebsiella و Escherichia coli bla<sub>SHV</sub> در ایزوله‌های pneumoniae از ۴۱ ایزوله‌ی E.coli و ۴۷ ایزوله‌ی K. pneumoniae ایجاد شده از نمونه‌های ترشحات لوله تراشه، ادرار، خمینی، سینا، شهدا و کودکان بود.

## مواد و روش‌ها:

تعداد ۴۱ ایزوله‌ی E.coli و ۴۷ ایزوله‌ی K. pneumoniae شده از نمونه‌های ترشحات لوله تراشه، ادرار،

از سال ۱۹۸۳ استفاده‌ی گسترده بالینی از اکسی ایمینو بتا لاکتام‌ها، به ویژه سفتازیدیم و سفوتوکسیم، موجب شد برخی از باکتری‌های آنزیم‌هایی با واسطه پلاسمید (بتالاکتامازهای وسیع الطیف) تولید کنند و به اکسی ایمینو بتالاکتام‌ها مقاوم شوند (۲۱ و ۲). بتالاکتامازهای وسیع الطیف (ESBLs) ابتدا در آلمان مشاهده شدند و از آن به بعد به سرعت در بین باکتری‌ها با تنوع قابل ملاحظه‌ای شیوع پیدا کردند (۲ و ۳). به نظر می‌رسد بتا لاکتامازهای خانواده SHV از سویه‌های کلبسیلا مشتق شده باشند. به طوریکه پیش ساز آنزیم‌های SHV-1، SHV-2 عموماً در کلبسیلا پنمونیه یافت شده است (۴ و ۵). بتالاکتاماز SHV-1 برای نخستین بار توسط Pitton (۱۹۷۲) کشف و PIT-2 نامگذاری شد که طبق تقسیم بندی Bush بتالاکتاماز کلاس A محسوب می‌گردد (۶). ژن SHV ممکن است به صورت یک ژن کروموزومی در کلبسیلا ظاهر شده و سپس از راه‌های مختلف ژنتیکی به پلاسمیدها منتقل شده و از آن طریق در بین گونه‌های دیگر انترو باکتریا سه پخش شده باشد (۷ و ۸). به طوریکه آنالیز ترادف bla<sub>SHV</sub> ژنومی کلبسیلا پنمونیه تائید کنندهٔ منشاء کروموزومی SHV می‌باشد (۸). اکثر ESBLs ای اشامنیت هایی از آنزیم‌های کلاسیک TEM-1، TEM-2 و SHV می‌باشد (۹). این مطالعات شامل موتابت هایی از آنزیم های SHV-1، با یک یا تعداد بیشتری اسیدهای آمینه جایگزین در اطراف سایت فعال آنزیم می‌باشند (۹). این تغییرات منجر به هیدرولیز سفالوسپورین‌های وسیع الطیف (سفتازیدیم و سفوتوکسیم) و مونوباکتم‌ها (آزترونام) می‌شود، و با وجود حساسیت به کلاولانات، مقاومت وسیعی به پنی سیلین ها، آزترونام، و سفالوسپورین‌ها (به استثناء سفامایسین‌ها) نشان می‌دهند (۱۰-۱۳). انواع ژن‌های bla<sub>SHV</sub> در ایزوله‌های مختلف باکتری‌ای مشاهده شده است و بین تعداد کپی ژن‌های کد کننده SHV-1 و سطح مقاومت آن‌ها رابطه وجود دارد (۱۴). اما قادر می‌تواند پنی سیلین و سفالوسپورین‌ها را هیدرولیز کند، اما قادر به هیدرولیز آنتی بیوتیک‌های وسیع الطیفی همانند اکسی ایمینو سفالوسپورین‌ها و مونوباکتم‌ها نیست. تداوم در استفاده از آنتی بیوتیک‌های وسیع الطیف، موجب بروز ESBLs می‌شود که قادر به هیدرولیز این ترکیبات نیز می‌باشد (۱۵).

اشريشیا کلی و کلبسیلا پنمونیه، مهم ترین باکتری‌های تولید کننده بتالاکتامازهای وسیع الطیف تیپ SHV و TEM هستند. بتالاکتامازهای وسیع الطیف تیپ CTX-M به طور گسترده از طریق

دیسک سفتازیدیم / کلاولانیک اسید و یا سفووتاکسیم / کلاولانیک اسید مشخص گردید.

جهت استخراج DNA و انجام PCR بیندا کل DNA ایزوله ها با روش جوشانیدن (boiling) استخراج شد(۳۲). تست PCR برای شناسایی ژن های بتا لاکتامازی (*bla<sub>SHV</sub>*) با اندازه ۴۷۱ bp تحت شرایط مندرج درج دلول ۱ انجام شد. توالی پرایمرهای مورد استفاده به شرح ذیل بود:

**5' - TCAGCGAAAAACACCTTG -3'**

**5' - TCCCGCAGATAAATCACCC -3'**

شاپیان ذکر است از سویه استاندارد *K. pneumoniae* ATCC 700603 جهت کنترل در آزمون PCR استفاده گردید. از مارکر SMO323 (Ladder Fermantase) ۱۰۰ bp تأیید وزن مولکولی محصولات تکثیر شده توسط PCR استفاده شد. الکتروفورز محصولات PCR در ژل ۱٪ آگارز به مدت ۶۰ دقیقه در ولتاژ ۹۰ انجام پذیرفت. برای رنگ آمیزی ژل، آن را به مدت ۱۵ دقیقه در تانک حاوی اتیدیوم بروماید قرار داده و سپس نتایج توسط دستگاه Translominator یا geldocument با نور UV مشاهده شدند.

خون، ترشحات برونش، خلط، زخم، مایع پلور و مدفوع از ۴ مرکز آموزشی و درمانی امام خمینی، شهدا، سینا و کودکان شهر تبریز در یک دوره ۶ ماهه به روش تصادفی ساده (Simple Random Sampling) جمع آوری شدند. ایزوله ها با انجام تست های بیوشیمیابی تعیین هویت شدند و در دمای ۸۰ درجه سانتی گراد نگهداری شدند. تعیین حساسیت آنتی بیوتیکی به وسیله روش دیسک دیفیوژن (Kirby&Bauer) انجام شد (۳۰). دیسک های مورد استفاده شامل؛ سفووتاکسیم (۳۰ µg)، سفتازیدیم (۳۰ µg)، آمیکاسین (۳۰ µg)، ایمی پنم (۱۰ µg)، آزترونام (۱۰ µg)، سفوروکسیم (۳۰ µg)، پیراسیلین / تازوباکتام (۳۰ µg/ ۱۰۰ µg) و سفپیم (۳۰ µg) از شرکت Mast بودند.

برای شناسایی ایزوله های تولید کننده ESBL<sub>S</sub> از تست تأییدی استفاده شد (۳۱). دیسک های مورد آزمایش سفتازیدیم / کلاولانیک اسید (CAZ: 30 µg/ CV: 10 µg) و سفووتاکسیم / کلاولانیک اسید (CTX : 30 µg/CV: 10 µg) به همراه سفووتاکسیم و سفتازیدیم هر کدام ۳۰ µg محصول شرکت Mast بودند. بعد از انکوباسیون به مدت ۲۴ ساعت در ۳۷°C، تولید ESBL<sub>S</sub> از طریق افزایش قطر هاله به اندازه ۵ میلی متر یا بیشتر در اطراف

جدول ۱: شرایط مورد استفاده در PCR

مراحل آزمایش	درجه حرارت (°C)	زمان
	SHV	
<b>First denaturation</b>	<b>94</b>	<b>4 min</b>
<b>Denaturation</b>	<b>94</b>	<b>1 min</b>
<b>Anneling</b>	<b>53</b>	<b>45 S</b>
<b>Extention</b>	<b>72</b>	<b>1 min</b>
<b>Final extention</b>	<b>72</b>	<b>10 min</b>
<b>Cycle number</b>	<b>35</b>	

### یافته ها:

سفتریاکسون، ۴۳ ایزوله (۹۱/۴۸٪) مقاوم به سفتازیدیم، ۴۲ ایزوله (۸۹/۳۶٪) مقاوم به سفوتاکسیم، ۴۱ ایزوله (۸۷/۲۳٪) مقاوم به پیپراسیلین / تازو باکتام و آزترونام بودند. ۳۹ ایزوله (۸۲/۹۸٪) مقاوم به سفپیم و همچنین ۵ ایزوله (۱۰/۶۴٪) به آمیکاسین مقاومت نشان دادند. هیچ کدام از ایزوله ها به ایمی پن مقاومت نشان ندادند (جدول ۲). از ۴۷ ایزوله مورد آزمایش، ۶ ایزوله ESBL مثبت بود (جدول ۳). همچنین مشخص شد که ۱۲ ایزوله (۲۵/۵۳٪) بعد از انجام آزمایش PCR حاوی ژن bla<sub>SHV</sub> بودند (شکل ۱).

از ۴۱ ایزوله *E. coli*، ۳۶ ایزوله (۸۷/۸٪) مقاوم به آزترونام، ۳۳ ایزوله (۸۰/۴۹٪) مقاوم به پیپراسیلین / تازو باکتام، ۳۲ ایزوله (۷۸/۰۵٪) مقاوم به سفوتاکسیم، سفوروکسیم و سفتریاکسون بودند. ۲۷ ایزوله (۶۵/۸۵٪) مقاوم به سفپیم و ۲ ایزوله (۴/۸۸٪) به آمیکاسین مقاومت نشان دادند. هیچ کدام از ایزوله ها به ایمی پن مقاوم نبودند (جدول ۲). از ۴۱ ایزوله *E. coli* مثبت بودند (جدول ۳) و ۷ ایزوله (۱۷/۰۷٪) حاوی ژن bla<sub>SHV</sub> بودند (شکل ۱). لازم به ذکر است که یک ایزوله حاوی ژن bla<sub>SHV</sub> شناسایی گردید که آزمایش آن منفي بود.

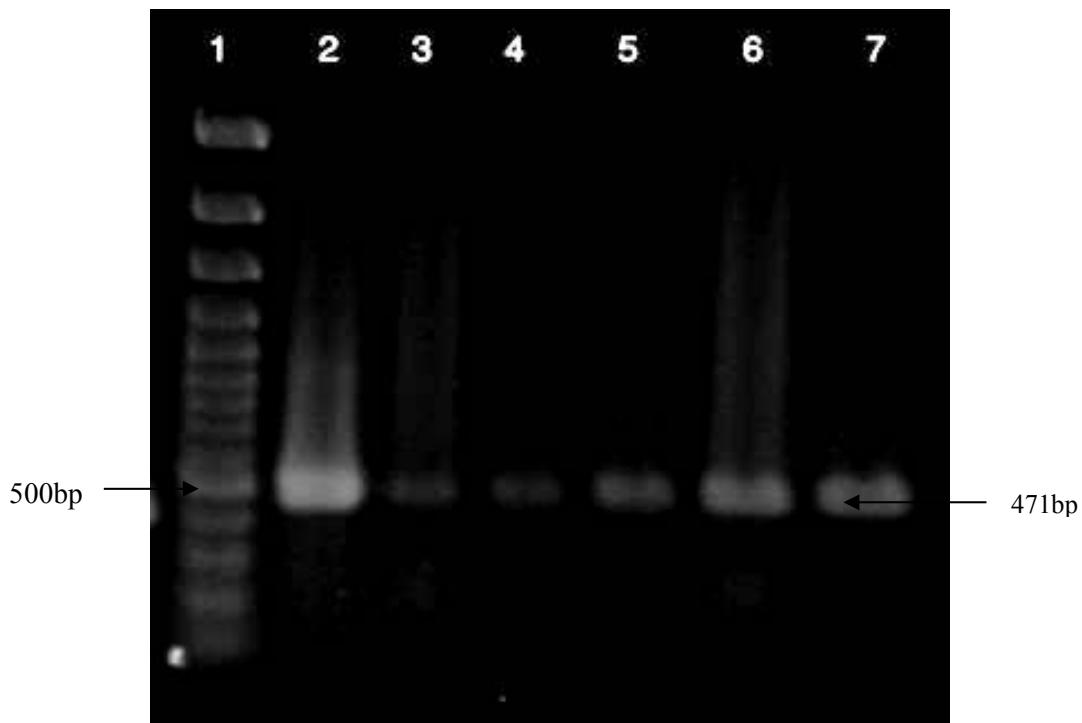
از بین ۴۷ ایزوله *K. pneumoniae*، ۴۶ ایزوله (۹۷/۸۷٪) مقاوم به سفورواکسیم، ۴۴ ایزوله (۹۳/۶۲٪) مقاوم به

جدول ۲: الگوهای حساسیت آنتی بیوتیکی در ایزوله های *E. coli* و *K. pneumoniae* (%)

باکتری	حساسیت / مقاومت	پیپراسیلین / تازو باکتام	ایمی پن	آمیکاسین	سفپیم	سفوروکسیم	سفتریاکسون	سفوتاکسیم	آزترونام
<i>E. coli</i>	حساس	۹/۷۶	۱۰۰	۸۷/۸۰	۱۴/۶۳	۴/۸۸	۱۹/۵۱	۲۱/۹۵	۱۷/۰۷
	حد وسط	۹/۷۵	۰	۷/۳۲	۱۹/۵۲	۱۷/۰۷	۰	۰	۴/۸۸
	مقاوم	۸۰/۴۹	۰	۴/۸۸	۶۵/۸۵	۷۸/۰۵	۸۰/۴۹	۷۸/۰۵	۸۷/۸۰
	حساس	۴/۲۶	۱۰۰	۷۲/۳۴	۸/۵۱	۴/۲۶	۰	۰	۲/۱۳
<i>K. pneumoniae</i>	حد وسط	۸/۵۱	۰	۱۷/۰۲	۸/۵۱	۴/۲۶	۰	۱۰/۶۴	۱۰/۶۴
	مقاوم	۸۷/۲۳	۰	۱۰/۶۴	۹۱/۴۸	۹۷/۸۷	۹۱/۴۸	۹۳/۶۲	۸۹/۳۶

جدول ۳: نتایج تست تاییدی (Combined disk)

حاله‌ی توقف رشد	سفوتاکسیم/کلاولانیک اسید ( <i>K. pneumoniae</i> )	سفوتاکسیم/کلاولانیک اسید ( <i>E. coli</i> )	سفوتاکسیم/کلاولانیک اسید ( <i>E. coli</i> )	سفوتاکسیم/کلاولانیک اسید ( <i>K. pneumoniae</i> )
افزایش هاله	۹۳/۶۲	۸۲/۹۲	۹۲/۶۸	
عدم افزایش هاله	۶/۳۸	۱۷/۰۸	۷/۳۲	

شکل ۱: نمایش ایزولههای حاوی ژن bla<sub>SHV</sub> (۴۷۱ bp) (۱: مارکر۲: کنترل مثبت ژن bla<sub>SHV</sub> (ATCC 700603) ۳-۷: ایزولههای حاوی ژن bla<sub>SHV</sub>

فعالیت علیه سفالوسپورینهای وسیع الطیف می‌شود، ممکن است به افزایش حساسیت ESBL‌ها به بازدارنده‌های بتالاکتاماز منجر شود. در این مطالعه ۲ باکتری گرم منفی که نقش اساسی را در تولید آنزیم‌های بتالاکتاماز ایفا می‌کنند بررسی شدند. مروری بر فراوانی سویه‌های مولد آنزیم‌های بتالاکتاماز در ۲ دهه اخیر گسترش و پراکندگی این آنزیم‌ها را در نقاط مختلف جهان نمایان می‌سازد. Prnicens در سال‌های ۱۹۹۱ تا ۱۹۹۵ محققان در بیمارستان Alexandra در استرالیا ۱۲ ایزوله کلبسیلا پنومونیه را یافته‌ند که دارای توالی ژن‌های بتالاکتاماز تیپ SHV بودند (۳۷). هلنده به عنوان کشوری است که با مصرف کم آنتی بیوتیک شناخته شده است. به طوریکه شیوع ایزولههای اشريشیا کلی و کلبسیلا پنومونیه تولید کننده ESBL (ESBL های تیپ SHV و TEM) در ۱۹۹۷ در این کشور کمتر از درصد بود. ولی مطالعات اخیر نشان دهنده افزایش مقاومت و حتی شناسایی تیپ‌های جدید از جمله تیپ SHV-31 در کلبسیلا پنومونیه در این کشور می‌باشد (۳۸). در تحقیقی مشابه (۲۰۰۰) در شمال تایوان که بر روی ۱۱۳ ایزوله‌ی کلبسیلا پنومونیه از نمونه‌های خون در ۱۰ بیمارستان جمع آوری شده بود، ۵۰ درصد ایزوله‌ها را ESBL مثبت گزارش دادند. در بین این ایزوله‌ها ۲ تیپ جدید SHV-25 و SHV-26 شناسایی

## بحث :

نتایج حاکی از مقاومت قابل توجه به سفالوسپورینهای نسل سوم، شیوع همه جانبه ESBL‌ها، و حضور ژن bla<sub>SHV</sub> در ایزولههای مورد بررسی است.

ESBL‌ها مولکولهای بتالاکتاماز کلاس A یا D می‌باشند که قادر به هیدرولیز اکسی ایمینو سفالوسپورین‌ها در اندازه‌ای برابر یا ادرصد بیشتر از بنزیل پنی سیلین‌ها هستند (۳۴-۳۳). تیپ‌های مختلف این آنزیم‌ها روز به روز در حال افزایش است، به نحوی که دسترسی به یافته‌های جدید از طریق یک سایت اینترنتی (www. Lahey. Org/ studies/ webt/stm) امکان پذیر شده است (۳۵). ESBLs علیه مونوباکتام‌ها و اکسی ایمینو سفالوسپورین‌ها، به استثناء سفامایسین، فعال هستند. اکثر سویه‌های تولید کننده ESBL به سفوکسیتین و سفووتان حساس می‌باشند (۱۳-۹). یکی از مهم ترین راهکارهای موفق در غلبه بر مقاومت بتالاکتامازها، استفاده از ممانعت کننده‌های آن‌ها است. این مکانیسم بر اساس فعالیت ممانعت کننده‌گی توسط اتصالات کووالانت به سایت فعال بتالاکتام‌های کلاس A صورت می‌پذیرد. تازوباکتم، سولباکتم و کلاولانیک اسید، ممانعت کننده‌های بتالاکتاماز را یچ مورد استفاده در بررسی‌های بالینی می‌باشند (۳۶). به علاوه، بزرگ شدن سایت فعل مانع به افزایش

بین نسل سوم در مقایسه با سفتازیدیم میزان جذب بالاتری به سفوتابکسیم دارد(۴۵). تفاوت در این عملکردها ممکن است ناشی از جایگزینی اسیدهای آمینه متفاوت در سایت فعل آنزیم باشد (۴۶-۴۸). روش های مولکولی مختلفی برای شناسایی و تعیین تیپ بتالاکتامازهای SHV پیشنهاد شده است، اما ترادف نوکلئوتیدی برای تعیین ژن های بتالاکتاماز در حال حاضر به عنوان یک استاندارد مطرح می باشد(۴۹).

### نتیجه گیری :

بتالاکتامازهای وسیع الطیف شیوع روز افزون دارند و نتایج مطالعه حاضر هم نشان از مقاومت بیشتر ایزوله ها برعلیه سفالوسپورین های نسل سوم دارد. حساسیت همه ایزوله های مورد مطالعه به ایمی پنم (۱۰۰ درصد) و حساسیت اکثربیت آنها در برابر آمیکاسین ۷۷/۳۴ درصد برای *E.coli* و ۸۷/۸ درصد برای *K. pneumoniae* و ارزشمند بودن این دارها مرا به توصیه های زیر رهنمون می سازد. در درمان عفونت باکتریال، با کمک متخصصین آزمایشگاه و به دنبال تعیین الگوی حساسیت دقیق، از یک بتالاکتام در ترکیب با یک بازدارنده بتالاکتاماز استفاده شود. بدین طریق از گسترش بتالاکتامازهای وسیع الطیف در بین سویه های مختلف باکتریایی کاسته شده و از بسط عفونت های مقاوم، و نیز روز افزون شدن مرگ و میر در مراکز درمانی پیشگیری می شود. در ادامه این مطالعه تعیین دقیق تیپ های مختلف آنزیم SHV و سایر آنزیم های ESBL با روش های مولکولی دیگر از قبیل REP-PCR، PCR-RFLP و تعیین توالی (Sequencing) این ژن ها توصیه می شود.

گردید(۳۹). سه سال بعد (۲۰۰۳) در تحقیقی در اسپانیا، از ۵۱ ایزوله اشريشیا کلی که به آموکسی سیلین-کلاولانات مقاومت داشتند، ۴۰ ایزوله به سفوتابکسیم مقاوم بودند. از آنها، ۶ ایزوله (۱۱ درصد) حاوی ژن bla<sub>SHV</sub> بودند(۱۸). در همین سال Ryoo و همکاران در بررسی روی نمونه های جمع آوری شده از ۱۲ بیمارستان در کره، دریافتند که ۲۳/۱ درصد ایزوله های اشريشیا کلی و ۳۵/۹ درصد ایزوله های کلبسیلا پنمونیه، ESBL مثبت هستند(۴۰). در سال ۲۰۰۵، ۶ ایزوله کلبسیلا پنمونیه در یکی از مراکز درمانی تحت نظر دانشگاه های زهیجانگ چین مقاومت وسیع نسبت به آنتی بیوتیک ها نشان دادند. در بررسی با روش PCR مشخص شد که هر ۶ ایزوله حامل ژن های SHV هستند(۴۱). در هندوستان (۲۰۰۷)، تحقیق Lal و همکاران فراوانی ژن SHV را، ۷۵/۷ درصد نشان داد(۱۹). جالب توجه است که در مالزی در سال ۲۰۰۸ از ۱۶ bla<sub>SHV</sub> ایزوله اشريشیا کلی، ۲ ایزوله (۱۲/۵ درصد) حامل ژن bla<sub>SHV</sub> گزارش شد(۲۰). در مطالعه حاضر بیشترین میزان مقاومت ایزوله های *E. coli* در برابر آزترونام (۸۷/۸ درصد) بود و بیشترین میزان مقاومت ایزوله های *K. pneumoniae* در برابر سفوروکسیم (۹۷/۸ درصد) بود. ضمناً، همه ایزوله ها در برابر *K. pneumoniae* نسبت به سفالوسپورین های نسل سوم، سفتریاکسون و سفوتابکسیم Jones (۴۲) و قابل توجه بود که در مقایسه با مطالعات Nijssen (۴۳) که به ترتیب ۱۸/۷ درصد و ۱۰ درصد گزارش نمودند، بسیار بالاتر است. بیش از ۹۷ درصد ایزوله های اشريشیا کلی و کلبسیلا پنمونیه در مطالعه حاضر مولد آنزیم های ESBL هستند. همچنین به ترتیب ۱۷/۰۷ و ۲۵/۵۳ درصد حاوی ژن bla<sub>SHV</sub> می باشند. مقایسه با نتایج مطالعات سایر کشورها نشان می دهد فراوانی و میزان شیوع ESBL ها در نقاط مختلف جهان یکسان نیست. پراکنده گری آنها در کشورها و حتی در شهرهای مختلف، متفاوت است(۴۴).

بررسی پرونده بیماران نشان داد در بیشتر موارد از سه داروی سفتازیدیم، سفوتابکسیم و سفتریاکسون (به تنهایی و یا به صورت توأم) استفاده شده بود. این شرایط، نقش فشار انتخابی ناشی از مصرف زیاد و بدون محدودیت خاص را در ایجاد مقاومت به خوبی روشن می سازد. لازم به ذکر است که تمایل هر کدام از تیپ های SHV به آنتی بیوتیک ها متفاوت است. به طوریکه میزان گرایش SHV-5 و SHV-55 به پنی سیلین ها بیشتر از SHV-1 است. همچنین SHV-55 میزان گرایش بالایی، در مقایسه با SHV-1 به نسل های اول، دوم و سوم سفالوسپورین ها، مونوباکتام ها و در

## فهرست مراجع:

1. Knote H, Shah P, Krcmery V, Natal M, Mitsuhashi S. Transferable resistance to cefotaxime, cefoxitin, cefamandole and sefuroxime in clinical isolates of *K pneumoniae* and *Serratia marcescens*. *Infect* 1983; **11**: 315 – 317.
2. Al-Jasser AM. Extended-spectrum beta-lactamase (ESBL<sub>S</sub>): a global problem. *Kuwait Med Journal* 006; **38** (3): 171-185.
3. Corkill JE, Cuevas LE, Gurgel RQ, Greensill J, Hart A. SHV-27, a novel cefotaxime-hydrolysing beta-lactamase, identified in *Klebsiella pneumoniae* isolates from a brazilian hospital. *J Antimicrob Chemother* 2001; **47**: 463-465.
4. Live more DM. Beta – lactamase in laboratory and clinical resistance. *Clin Microbial Rev* 1995; **8** (4): 557 – 584.
5. Shahid M, Malik A. Plasmid mediated amikacin resistance in clinical isolates of *Pseudomonas aeruginosa*. *Indian J Med Microbiol* 2004; **22**(3): 182-184.
6. Chaves J, Ladona MG, Segura C, Coira A, Reig R, Ampurdanes C. SHV-1 beta-lactamase is mainly a chromosomally encoded species-specific enzyme in *Klebsiella pneumoniae*. *Antimicrob Agents Chemother* 2001; **45**: 2856-2861.
7. Miranda G, Castro N, Leanos B, Valenzuela A, Garza-Ramos U, Rojas T et al. Clonal and horizontal dissemination of *Klebsiella pneumoniae* expressing SHV-5 extended-spectrum beta-lactamase in a Mexican pediatric hospital. *J Clinical Microbiol* 2004; **42**: 30-35.
8. Ford PJ, Avison MB. Evolutionary mapping of the SHV beta-lactamase and evidence for two separate IS26-dependent bla<sub>SHV</sub> mobilization events from the *Klebsiella pneumoniae* chromosome. *J Antimicrob Chemother* 2004; **54**: 69-75.
9. Song JS, Lee JH, Lee J -H, Jeong B C, Lee W -K, Lee SH. Removal of contaminating TEM-la beta-lactamase gen from commercial Taq DNA polymerase. *J Microbiol* 2006; **44**: 126-128.
10. Paterson DL, Ko W -C, Von Gottberg A, Casellas JM, Mulazimoglu L, Klugman KP et al. Outcome of cephalosporin treatment for serious infections due to apparently susceptible organisms producing extended- spectrum beta-lactamases: Implications for the clinical microbiology laboratory. *J Clinl Microbiol* 2001; **39**: 2206-2212.
11. Pitout J DD, Nordmann P, Laupland KB, Poirel L. Emergence of enterobacteriaceae producing extended-spectrum beta-lactamases (ESBL<sub>S</sub>) in the community. *J Antimicrob Chemother* 2005; 1-8.
12. Nukaga M, Kumar S, Nukaga K, Pratt RF, Knox JR. Hydrolysis of third-generation cephalosporins by class C beta-lactamases. *J Biological Chemistry* 2004; **279**: 9344-9352.
13. Bradford PA. Extended-spectrum beta lactamases in the 21st century: characterization, epidemiology, and detection of this important resistance threat. *Clin. Microbiol. Rev.* 2001; **14**, 933-951.
14. Hammod DS, Schooneveldt J, Nimmo G, Huygens F, Giffard PM. bla<sub>SHV</sub> genes in *Klebsiella pneumoniae*: Different allele distributions associated with different promoters within individual isolates. *Antimicrob Agents Chemother* 2005; **49**: 256-263.
15. Liu G, Ling B -D, Xie Y -E, Lin L, Zeng Y, Zhang X, Lei J. Characterization of CTX-M-22 and TEM-141 encoded by a single plasmid from a clinical isolate of *Enterobacter cloacae* in china. *Japan J Infect Dis* 2007; **60**: 295-297.
16. Medeiros AA. Nosocomial outbreak of multiresistant bacteria extended – spectrum beta-lactamases have arrived in North America. *J Ann Inter Med* 1993; **119**: 428 -43.
17. Kurokawa H, Shibata N, Doi Y, Shibayama K, Kamachi K, Yagi T et al. A new TEM-derived extended-spectrum beta-lactamase (TEM-91) with an R164C substitution at the Ω-loop confers ceftazidime resistance. *Antimicrob Agents Chemother* 2003; **47**: 2981-2983.
18. Colom K, Perez J, Alonso R, Fernandez – Aranguiz A, Larino E, Cisterna R. Simple and reliable multiplex PCR assay for detection of bla<sub>TEM</sub>, bla<sub>SHV</sub>, bla<sub>OXA-1</sub> Genes in Enterobacteriaceae. *FEMS Microbiol Lett* (2003 ); **223**:147 -151.
19. Lal p, Kapil A, Das KB, Sood S. Occurance TEM and SHV gene in extended-spectrom beta Lactamase (ESBL) producing *Klebseilla spp.* isolated from a tertiary care hospital. *Indian J Med Res* 2007; **125**: 173-178.
20. Sekawi Z, Yusof R, Nor Shamsudin M. Extended-spectrum beta-lactamases- producing *Escherichia coli* from a tertiary hospital in Malaysia: Emergence of CTX-M-type beta-lactamases variation. *Research J Microbiol* 2008; 1-5.
21. شاهچراغی ف، نیک بین و، شورج ف. بررسی مولکولی

- بتالاکتامازهای TEM ، VEB ، PER و SHV در سویه های پسودوموناس آئروژینوزا جدا شده از نمونه های زخم در دو بیمارستان تهران به روش PCR ، مجله میکروب شناسی پژوهشکی ایران، زمستان ۱۳۸۶، سال ۱، شماره ۴، صص ۲۱ تا ۲۷.
۲۲. مبین ه ، نهایی م ر ، امیر مظفری ن ، مودب س ر ، موسی ش ، (ESBL) صفائیان ف و همکاران . آنزیم بتالاکتاماز طیف گسترده (ESBL) گروه CTX-M در سویه های بالینی کلسبیلا پنومونیه جدا شده از بخش مراقبت های ویژه در بیمارستان های آموزشی شهر تبریز . فصلنامه بیماری های عفونی و گرمسیری ، پائیز ۱۳۸۶ ، سال ۱۲ ، شماره ۳۸ ، صص ۲۱ تا ۲۵.
۲۳. زمان زاد ب ، دیهم ب ، نفیسی م ر ، کریمی ع ، فرخی ع . بررسی فراوانی ژن TEM-1 در سویه های اشريشیاکلی ، کلسبیلا پنومونیه و انتروبیاکتر تولید کننده بتالاکتامازهای وسیع الطیف ایزوله شده از نمونه های کلینیکی بیمارستان های آموزشی شهرکرد به روش PCR ، مجله علمی دانشگاه علوم پزشکی و خدمات بهداشتی درمانی همدان ، زمستان ۱۳۸۶ ، دوره ۱۴ ، شماره ۴ . صص ۱۹ تا ۲۵.
24. Jacoby GA, Medeiros AA. More extended spectrum  $\beta$ -lactamases. *Antimicrob Agents Chemother* 1991; **35**: 1697-1704.
25. Daoud Z, Hakime N. Prevalence and susceptibility pattern of ESBL producing *Escherichia coli* and *Klebsiella pneumoniae* in a general university hospital in Beirut, Lebanon. *Rev Esp Quimioter* 2003; **16**(2): 233-238.
26. Patricia A. ESBL in 21st century: Characterization, Epidemiology and Detection of this important resistance threat. *Clin Microbiol Rev* 2001; **14**(4): 933-951.
27. Liu G, Ling B -D, Zeng Y, Lin L, Xie Y -E, Lei J. Molecular characterization of extended-spectrum beta-lactamases produced by clinical isolates of *Enterobacter cloacae* from a teaching hospital in china. *Japan - Infect Dis* 2008; **61**: 286-289.
28. Palucha A, Mikiewics B, Hryniwicz W. Concurrent outbreaks of ESBL producing organism of the family Entrobacteriaceae in a Warsaw Hospital. *J Antimicrob Chemother* 1999; **44**(4): 489-99.
29. Magdalena T, Fritz H, Herbert H. Survey and Molecular Genetics of SHV betalactamases in Enterobacteriaceae in Switzerland: Two Novel Enzymes, SHV-11 and SHV-12. *Antimicrob Agents Chemother* 1997; **41**(5): 943-949.
30. Bauer AW, Kirby WMM, Sherris JC, Turck M. Antibiotic susceptibility testing by a standardized single disk method. *Am J Clin Pathol* 1966; **45**: 493-496.
31. Srisangkaew S, Vorachit M. The Optimum Agent for Screening and Confirmatory Tests for Extended-Spectrum Beta-Lactamases in *Escherichia coli* and *Klebsiella pneumoniae* in Ramathibodi Hospital, Thailand. *J Infect Dis Antimicrob Agents* 2004; **21**: 1-5.
32. Casali N, Preston A. Isolation of plasmids from *E. coli* by boiling lysis, methods in molecular biology. In: Ehrt S, Schnappinger D Totowa, NJ,eds. *E. coli Plasmid Vectors*. Humana Press Inc. 2003; pp: 79.
33. Prinarakis EE, Miriagou V, Tzelepi E, Gazouli M, Tzouvelekis LS. Emergence of an inhibitor-resistant beta-lactamases (SHV-10) derived from an SHV-5 variant. *Antimicrob Agents Chemother* 1997; **41**: 838 -84.
34. Störnborg E, Mack D. Extended-spectrum beta-lactamases implication for clinical microbiology laboratory, therapy and infection control. *J Infect* 2003; **47**: 273 – 295.
35. Bush K, Jacoby GA& Medeiros AA. A functional classification scheme for beta-lactamases and its correlation with molecular structure. *Antimicrob Agents Chemother* 1995; **39**(6) : 1211 -1233.
36. Pagan-Rodriguez D, Zhou X, Simmons R, Bethel CR, Hujer AM, Helfand MS et al. Tazobactam inactivation of SHV-1 and the inhibitor-resistant ser<sup>130</sup> → Gly SHV-1 beta-lactamase. *J Biological Chemistry* 2004; **279**: 19494-19501.
37. Harward C, Van Daal A, Kelly G, Schooneveldt J, Nimmo G, Giffard PM. Identification and minisequencing-based discrimination of SHV beta-lactamases in nosocomial infection-associated *Klebsiella pneumoniae* in Brisbane, Australia. *J American Society for Microbiol* 2002; 659-664.
38. Mazzariol A, Roelofsen E, Koncan R, Voss A, Cornaglia G. Detection of a new SHV-type extended-spectrum beta-lactamase, SHV-31, in a *Klebsiella pneumoniae* strain causing a large nosocomial outbreak in the Netherlands. *Antimicrob Agents Chemother* 2007; **51**: 1082-1084.
39. Chang FY, Siu LK, Fung CP, Huang MH, Ho M. Diversity of SHV and TEM beta-lactamases in *Klebsiella pneumoniae*: Gen evolution in northern Taiwan and novel beta-lactamases, SHV-25 and SHV-26. *Antimicrob Agents Chemother* 2001; **45**(9): 2407-2413.
40. Ryoo NH, Kim EC, Hong SG, Park YJ, Lee K, Bae IK et al. Dissemination of SHV-12 and CTX-

- M-type extended-spectrum beta-lactamases among clinical isolates of *Escherichia coli* and *Klebsiella pneumoniae* and emergence of GES-3 in korea.* *J Antimicrob Chemother* 2005; **56**: 698-702.
41. Zei – qing Wei, Ya – gang chen, Yung – Song Yu, Xin Lu and Lan – Juan Li. laboratory, therapy and infection control Extended – spectrum beta – lactamases implication for clinical microbiology. *J Medical Microbiol* 2005; **54**: 885-886.
42. Nijssen S, Florijn A, Bonten MJM, Schmitz FJ, Verhoeft J, Fluit AC. Beta-lactam susceptibilities and prevalence of ESBL-producing isolates among more than 5000 European Enterobacteriaceae isolates. *Intern J Antimicrob Chemother* 2004; **24**(6): 585-591.
43. Jones RN, Biedenbach DJ, Gales AC. Sustained activity and spectrum of selected extended-spectrum  $\beta$ - lactams (Carbapenems and Cefepime) against *Enterobacter* spp. And ESBL-producing *Klebsiella* spp. report of the Sentry antimicrobial surveillance program (USA, 1997-2000). *Intern J Antimicrob Chemother* 2003; **21**: 1-7
44. Nass T, Philippon L, Poirel L, Ronca E, Nordman P. An SHV- derived extended– spectrum beta-lactamases in *Pseudomonas aeruginosa*. *Antimicrob Agents Chemother* 1999; **43**: 1281 – 1284.
45. Mendonca N, Manageiro V, Bonnet R, Canica M. Biochemical characterization of SHV-55, an extended-spectrum class A beta-lactamases from *Klebsiella pneumoniae*. *Antimicrob Agents Chemother* 2008; **52**: 1897-1898.
46. Heffernan H, Woodhouse R, Blackmore T. Methods used in New Zealand diagnostic laboratories to identify and report extended-spectrum beta-lactamase producing enterobacteriaceae. *Institute of Environmental Science and Research Limited( ESR )* 2005; 1-38.
47. Heffernan H, Pope C, Carter P. Identification of extended-spectrum beta-lactamase types, plasmid-mediated AMPC beta-lactamases and strains among urinary *Escherichia coli* and *Klebsiella* in New Zealand in 2006. *Institute of Environmental Science and Research Limited( ESR )* 2007; 1-28.
48. Arpin C, Labia R, Andre C, Frigo C, El Harrif Z, Quentin C. SHV-16, beta-lactamase with a pentapeptide duplication in the omega loop. *Antimicrob Agents Chemother* 2001; **45**: 2480-2485.
49. Naiemi NA, Schipper K, Duim B, Bart A. Application of minimal sequence quality values prevents misidentification of the *bla<sub>SHV</sub>* type in single bacterial isolates carrying different SHV extended-spectrum beta-lactamase genes. *J Clin Microbiol* 2006; **44**: 1896-1898.